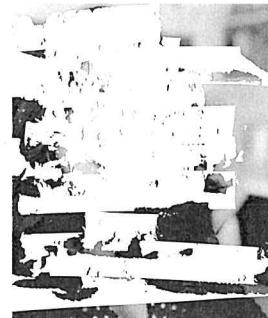


FORMATO EUROPEO
PER IL CURRICULUM
VITAE



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome DI SALVATORE VALENTINA

Indirizzo

Telefono

Fax

E-mail

Nazionalità

Italiana

Data di nascita

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

DAL 01/12/14 AL 30/11/16

Istituto di Scienze neurologiche del CNR, UOS di Catania

Consiglio Nazionale delle Ricerche

Borsa di formazione nell'ambito del progetto "DNA on disk: piattaforma e kit diagnostici per la salute dell'uomo in ambito oncologico, neurologico, infettivo e delle malattie legate alla povertà"

Utilizzo dell'informazione genomica disponibile su Internet e di software specifici per l'analisi di dati genomici, analisi d'espressione genica e analisi statistica. Rappresentazione di pathway biologici di interesse e interpretazione dell'output.

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
- Qualifica conseguita

DA OTTOBRE 2017 A FEBBRAIO 2021

Dottorato di ricerca in "BASIC AND APPLIED BIOMEDICAL SCIENCES" presso l'Università degli Studi di Catania, Dipartimento di Scienze Biomediche e Biotecnologiche (BIOMETEC)

L'attività di ricerca si è focalizzata prevalentemente sulla biologia computazionale e in particolare sull'impiego di specifici tools bioinformatici nel processo di data mining, analisi statistica e interpretazione di dati genomici ad alto throughput, nell'ambito dell'oncologia, della precision medicine, della medicina rigenerativa e nel drug discovery in generale. L'attività di ricerca ha compreso anche l'apprendimento e l'applicazione delle più comuni tecniche di scalabilità (orizzontale e verticale) ai sistemi utilizzati.

Titolo di Dottore di ricerca in "BASIC AND APPLIED BIOMEDICAL SCIENCES" dell'Università degli Studi di Catania

<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio • Qualifica conseguita 	<p>DICEMBRE 2020 IEEE Computer Society 2020 IEEE International Conference on Bioinformatics and Biomedicine (BIBM) Attestato di partecipazione come speaker per la presentazione del paper "Modeling, simulation and prediction of protein structures for the design of oncolytic viruses"</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio • Qualifica conseguita 	<p>OTTOBRE 2019 IIT - Istituto Italiano di Tecnologia (MI) Corso di analisi dati da RNA-Seq presso l'Istituto di Scienze Genomiche Attestato di frequenza (2019)</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio • Qualifica conseguita 	<p>MARZO 2019 Società Italiana di Biostatistica Corso di Metodi di Biostatistica per la ricerca clinica e di base Attestato di frequenza (2019)</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio • Qualifica conseguita 	<p>OTTOBRE 2015 5th Edition of the International School of Functional Genomics "Computation as a driver of translational medicine": dato l'impatto che la medicina traslazionale continua ad avere in ambito biomedico, vengono presentate le tecnologie computazionali necessarie per consentire un sempre più rapido ed efficiente trasferimento delle nuove conoscenze di base al settore della diagnostica, della terapia e, in generale, della tutela della salute. Attestato di frequenza (2015)</p>
<ul style="list-style-type: none"> • Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio • Qualifica conseguita 	<p>OTTOBRE 2009 CINECA Course: Dal C alla programmazione ad oggetti in C++; CINECA Course: Tecniche e strumenti per la programmazione scientifica in ambiente Linux/Unix Tecniche di programmazione in C e C++; Tecniche di programmazione in ambiente Linux/Unix Attestato di frequenza (2009)</p>

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
- Qualifica conseguita

APRILE 2009

Università degli Studi di Catania, Facoltà di Ingegneria, Corso di Laurea in Ingegneria Informatica

Obiettivo del lavoro di tesi, dal titolo "Un nuovo sistema dielettroforetico per la separazione di micro -particelle su dispositivi lab – on – chip", è stato quello di definire, attraverso l'utilizzo del software di simulazione COMSOL Multiphysics, il valore della tensione applicata al sistema per il quale è possibile ottenere una separazione tra globuli bianchi e rossi contenuti in un campione di plasma.

Laurea con votazione di 98/110 (2009)

<p>CAPACITÀ E COMPETENZE PERSONALI Acquisite nel corso della vita e della carriera ma non necessariamente riconosciute da certificati e diplomi ufficiali.</p>	
	MADRELINGUA
	ITALIANO
	ALTRE LINGUA
<ul style="list-style-type: none"> • Capacità di lettura • Capacità di scrittura • Capacità di espressione orale 	INGLESE ECCELLENTE ECCELLENTE ECCELLENTE
<ul style="list-style-type: none"> • Capacità di lettura • Capacità di scrittura • Capacità di espressione orale 	FRANCESE BUONO BUONO BUONO
<ul style="list-style-type: none"> • Capacità di lettura • Capacità di scrittura • Capacità di espressione orale 	TEDESCO BUONO BUONO ELEMENTARE
CAPACITÀ E COMPETENZE RELAZIONALI Vivere e lavorare con altre persone, in ambiente multiculturale, occupando posti in cui la comunicazione è importante e in situazioni in cui è essenziale lavorare in squadra (ad es. cultura e sport), ecc.	LA MIA ATTIVITÀ DI RICERCA AL CNR PRIMA E ALL'UNIVERSITÀ DI CATANIA POI, CHE BASA SUL LAVORO DI SQUADRA IL RAGGIUNGIMENTO DEGLI OBIETTIVI PROPOSTI, MI HA PERMESSO DI ACQUISIRE UN NOTEVOLI SENSO DI COOPERAZIONE CON GLI ALTRI MEMBRI DEL TEAM E DI MIGLIORARE LA MIA PROPENSIONE ALLA COMUNICAZIONE E AL CONFRONTO ALL'INTERNO DEL MIO AMBIENTE DI LAVORO.
CAPACITÀ E COMPETENZE TECNICHE Con computer, attrezzature specifiche, macchinari, ecc.	LINGUAGGI DI PROGRAMMAZIONE: C, C++, JAVA, MYSQL, PHP, R SOFTWARE: OFFICE (WORD, POWER POINT, EXCEL), METACORE (SOFTWARE PER L'ANALISI DI PATHWAY BIOLOGICI), GENESPRING (SOFTWARE PER L'ANALISI DELL'ESPRESSIONE GENICA DI DATI PROVENIENTI DA MICROARRAY O RNA-SEQ, ANALISI STATISTICA E DEI PATHWAY BIOLOGICI), IPA (SOFTWARE PER L'ANALISI DI PATHWAY BIOLOGICI), MATLAB (AMBIENTE PER IL CALCOLO NUMERICO E L'ANALISI STATISTICA SCRITTO IN C), COMSOL MULTIPHYSICS (SOFTWARE DI SIMULAZIONE MULTIFISICA), KRAKEN (SET DI TOOLS SCRITTI IN C PER L'ANALISI E IL CONTROLLO QUALITÀ DI DATI PROVENIENTI DA SEQUENZIAMENTO)

ELENCO PUBBLICAZIONI

- In vitro antibacterial, anti-adhesive and anti-biofilm activities of *Krameria Lappacea* (Dombey) burdet & B.B. Simpson root extract against methicillin-resistant *staphylococcus aureus* strains
Genovese, C., D'angeli, F., Bellia, F., Milardo, F., Volti, G.L., Di Salvatore, V.
Antibiotics, 2021, 10(4), 428
- Modeling, simulation and prediction of protein structures for the design of oncolytic viruses
Di Salvatore, V., Formica, D., Russo, G., Giannino, V., Pappalardo, F.
Proceedings - 2020 IEEE International Conference on Bioinformatics and Biomedicine, BIBM 2020, 2020, pp. 1268-1274, 9313198
- *Streptococcus agalactiae* in pregnant women: serotype and antimicrobial susceptibility patterns over five years in Eastern Sicily (Italy)
Genovese, C., D'Angeli, F., Di Salvatore, V., Tempera, G., Nicolosi, D.
European Journal of Clinical Microbiology and Infectious Diseases, 2020, 39(12), pp. 2387-2396
- Comparison of Cell Culture with Three Conventional Polymerase Chain Reactions for Detecting *Chlamydophila pneumoniae* in Adult's Pharyngotonsillitis
Stivala, A., Genovese, C., Bonaccorso, C., ...Garozzo, A., Salmeri, M.
Current Microbiology, 2020, 77(10), pp. 2841-2846
- Gene expression and pathway bioinformatics analysis detect a potential predictive value of MAP3K8 in thyroid cancer progression
Di Salvatore, V., Giani, F., Russo, G., ...Frasca, F., Pappalardo, F.
2019 IEEE International Conference on Bioinformatics and Biomedicine, BIBM 2019, 2019, pp. 2202-2206, 8983036
- EpiMethEx: A tool for large-scale integrated analysis in methylation hotspots linked to genetic regulation
Saverio Candido, Giuseppe Alessandro Parasiliti Palumbo, Marzio Pennisi, Giulia Russo, Giuseppe Sgroi, Valentina Di Salvatore, Massimo Libra and Francesco Pappalardo F. 2019, *BMC Bioinformatics*
- Immunological effects of occupational exposure to lead (Review) Fenga, C., Gangemi, S., Di Salvatore, V., Falzone, L., Libra, M. 2017, *Molecular Medicine Reports*
- Epigenetic alterations and occupational exposure to benzene, fibers, and heavy metals associated with tumor development (Review)
Salemi R, Marconi A, Di Salvatore V, Franco S, Rapisarda V, Libra M. 2017, *Molecular Medicine Reports*
- Computational modeling in melanoma for novel drug discovery
Pennisi M, Russo G, Di Salvatore V, Candido S, Libra M, Pappalardo F. 2016, *Expert Opinion on Drug Discovery*

PATENTE O PATENTI

Patente A/B

Iscritta all'albo degli Ingegneri (n. 6635)

Iscritta alla Società Italiana di Statistica (SIS)

Iscritta alla Società Italiana di Biometria (SIBE)

Autorizzo il trattamento dei dati personali contenuti nel mio curriculum vitae in base art. 13 del D. Lgs. 196/2003

Firma

